

CYP2D6

Allel analyse	Referencegen *	Sekvens startposition	ATG startposition	Reference allel * (vildtypen)	>	Variant allel (mutanten)	SNP
*2	M33388	4469	2850	C	>	T	rs16947
*3	M33388	4168	2549	A	>	delA	rs35742686
*4	M33388	3465	1846	G	>	A	rs3892097
*6	M33388	3326	1707	T	>	delT	rs5030653
*9	M33388	4234_4236	2615_2617	AAG	>	delAAG	rs5030656
*10	M33388	1719	100	C	>	T	rs1065852
*17	M33388	2642	1023	C	>	T	rs28371706
*41	M33388	4607	2988	G	>	A	rs28371725

*M33388 er referencesekvens for CYP2D6-analyserne på EHL. M33388 er forgænger til den nuværende referencesekvens anbefalet af PharmVar (NG_008376.4) og matcher CYP2D6*1.001 (vildtypen), bortset fra at positionerne er forskudt efter pos600.

CYP2C19

Allel analyse	Referencegen *	Sekvens startposition	ATG startposition	Reference allel * (vildtypen)	>	Variant allel (mutanten)	SNP
*2	NG_008384.2	24179	19154	G	>	A	rs4244285
*3	NG_008384.2	22973	17948	G	>	A	rs4986893
*4	NG_008384.2	5026	1	A	>	G	rs28399504
*17	NG_008384.2	4220	-806	C	>	T	rs12248560

*NG_008384.2 er referencesekvens for CYP2C19-analyserne på EHL. NG_008384.2 er forgænger til den nuværende referencesekvens anbefalet af PharmVar (NG_008384.3) og matcher CYP2C19*38.001 (vildtypen).

CYP2C9

Allel analyse	Referencegen *	Sekvens startposition	ATG startposition	Reference allel * (vildtypen)	>	Variant allel (mutanten)	SNP
*2	NG_008385.1	8633	-	C	>	T	rs1799853
*3	NG_008385.1	47639	-	A	>	C	rs1057910

*NG_008385.1 er referencesekvens for CYP2C9-analyserne på EHL. NG_008385.1 er forgænger til den nuværende referencesekvens anbefalet af PharmVar (NG_008385.2) og matcher CYP2C9*1.001 (vildtypen).

CYP1A2, CYP3A4 og CYP3A5

Allel analyse	Referencegen *	Sekvens startposition	ATG startposition	Reference allel * (vildtypen)	>	Variant allel (mutanten)	SNP
CYP1A2*1F	NG_061543.1	5732	-163	C	>	A	rs762551
CYP3A4*22	NG_008421.1	20493	15389	C	>	T	rs35599367
CYP3A5*3	NG_007938.2	12083	6981	A	>	G	rs776746

*NG_061543.1 er referencesekvens for CYP1A2-analysen på EHL og matcher CYP1A2*1.001 (vildtypen).

*NG_008421.1 er referencesekvens for CYP3A4-analysen på EHL og matcher CYP3A4*1.001 (vildtypen).

*NG_007938.2 er referencesekvens for CYP3A5-analysen på EHL og matcher CYP3A5*1.001 (vildtypen).